

ESH Training Course on WHO Classification:
Towards Personalized Medicine in Haematology
Henna-Riikka Junlén 2017-05-26



Reseberättelse

Med hjälp av Blodcancerförbundets resestipendium fick jag i vår möjligheten att åka på en nyutformad och mycket intressant kurs arrangerad av "European School of Haematology" (ESH). Kursen ordnades i Saggart, en stillsam förort till Irlands huvudstad Dublin, och samlade uppemot 150 deltagare från ett 30-tal olika länder världen över.

Kursen handlade om individanpassad handläggning av patienter med hematologiska maligniteter med utgångspunkt i världshälsoorganisationens (WHO) klassifikation av tumörer. WHO klassifikationen är en uppslagsbok som förser patologer och kliniskt verksamma läkare med kriterier för diagnosättning samt information om patologiska särdrag och förändringar i tumörcellernas arvs massa vid olika tumörsjukdomar.

Tillgången på ny teknik för genomisk analys (analys av organismens hela arvs massa) har under senare år möjliggjort effektiv kartläggning av tumörcellernas arvs massa. Denna kartläggning möjliggör i sin tur högre diagnostisk träffsäkerhet samt utveckling av förfinade prognosverktyg och individualiserade behandlingsstrategier baserade på tumörcellernas genomiska profil.

Jag arbetar till vardags som ST-läkare på Hematologiskt Centrum på Karolinska Universitetssjukhuset. Parallellt med mitt kliniska arbete bedriver jag doktorandstudier på Karolinska Institutet med ett forskningsprojekt om follikulärt lymfom. Som relativt ny inom hematologin är det lätt att känna sig överväldigad av all tillgänglig och snabbt ökande kunskapsmängd om tumörcellernas genomiska förändringar och för mig var denna kurs ett ypperligt tillfälle att få en översikt av området.

Kursen började med en introduktion som innefattade grundläggande genomik samt en översikt av de olika teknikerna för genomisk analys. Även några av utmaningarna med de nyaste teknikerna, så som behovet av datalagringsutrymme och av bioinformatikstöd vid dataanalys samt etiska aspekter med genomisk analys, diskuterades. Dr Mario Cazzola (Pavia, Italien) och Dr Steven Swerdlow (Pittsburgh, USA) introducerade kursdelatagarna därefter till 2016 års uppdateringar i WHO klassifikationen.

Resten av kursen ägnades sedan åt separata föreläsningar och paneldiskussioner om genomikens betydelse vid olika hematologiska maligniteter; akut myeloisk leukemi, kronisk myeloisk leukemi, myeloproliferativa sjukdomar, myelodysplastiskt syndrom, akut lymfatisk leukemi samt lymfoproliferativa sjukdomar. Dessutom gavs ett antal olika exempel på hur

ESH Training Course on WHO Classification:

Towards Personalized Medicine in Haematology

Henna-Riikka Junlén 2017-05-26

information om genomiska förändringar i dagsläget kan integreras i kliniskt beslutsfattande inom hematologin.

Generellt sett har forskningen kring tumörcellernas genomiska förändringar kommit längre inom myeloida jämfört med lymfoida maligniteter. Bland annat Dr Laura Pasqualuccis (New York, USA) föreläsning och imponerande arbeten om genomiken vid diffust storcelligt B-cellslymfom och andra B-cellslymfom gjorde dock ett starkt intryck på mig och ingav hopp om framtida utveckling. Även Dr Brunangelo Falinis (Perugia, Italien) föreläsning om upptäckten av BRAF-mutationen hos patienter med hårcellsleukemi samt rapporteringen av lovande behandlingsresultat med BRAF-hämmaren vemurafenib var mycket spännande!

Kursen införlivade mina förhoppningar om att få en översikt av detta komplexa och dynamiska forskningsområde. Dessutom var den ett trevligt tillfälle att lära känna kollegor kollegor från när och fjärran.

Jag vill rikta ett STORT TACK till Blodcancerförbundet för resestipendiet som möjliggjorde mitt kursdeltagande!

Stockholm

2017-05-26

Henna-Riikka Junlén